

# Quelques résultats de Jason Schweinsberg sur un modèle de Moran avec sélection

François Ged

Modèle de Moran avec sélection. Les paramètres :

$N$  = taille de la population ;

$1$  = taux de mort ;

$\mu_N$  = taux de mutation ;

$s_N$  = coefficient de sélection ;    fitness =  $1 + s_N(j - M(t))$ .

On suppose que  $\mu_N, s_N \xrightarrow{N \rightarrow \infty} 0$  tels que  $\frac{1}{N^a} \ll \mu_N \ll s_N^b$ , pour tout  $a, b > 0$ .

Modèle de Moran avec sélection. Les paramètres :

$N$  = taille de la population ;

$1$  = taux de mort ;

$\mu_N$  = taux de mutation ;

$s_N$  = coefficient de sélection ; fitness =  $1 + s_N(j - M(t))$ .

On suppose que  $\mu_N, s_N \xrightarrow{N \rightarrow \infty} 0$  tels que  $\frac{1}{N^a} \ll \mu_N \ll s_N^b$ , pour tout  $a, b > 0$ .

$X_j(t)$  := nombre d'individus porteurs de  $j$  mutations à l'instant  $t$ ;

$M(t) := \frac{1}{N} \sum_{j \geq 0} j X_j(t)$ , le nombre moyen de mutations à l'instant  $t$ ;

$Q(t) := \max \{j \geq 0 : X_j(t) > 0\} - M(t)$ , l'avantage le plus élevé dans la population à l'instant  $t$ ;

Schweinsberg répond à quatre questions quand  $N \sim \infty$  :

- 1) Quelle est l'évolution de  $M$  ?
- 2) Quelle est l'évolution de  $Q$  ?
- 3) Quelle est la distribution de  $(X_0(t), X_1(t), \dots, X_j(t), \dots)$
- 4) A quoi ressemble la généalogie d'un  $n$ -échantillon de la population à un certain instant ?

On définit

$$a_N := \frac{\log(s_N/\mu_N)}{s_N}, \quad k_N := \frac{\log(N)}{\log(s_N/\mu_N)}$$

où  $a_N$  est approximativement la durée entre l'apparition d'un type et l'instant où il est dominant, et  $k_N$  approximativement le nombre de nouveaux types qui apparaissent en  $a_N$  unités de temps.

On définit

$$a_N := \frac{\log(s_N/\mu_N)}{s_N}, \quad k_N := \frac{\log(N)}{\log(s_N/\mu_N)}$$

où  $a_N$  est approximativement la durée entre l'apparition d'un type et l'instant où il est dominant, et  $k_N$  approximativement le nombre de nouveaux types qui apparaissent en  $a_N$  unités de temps.

- 1) pour  $t$  grand :  $\frac{M(a_N t)}{a_N t} \simeq \frac{2k_N}{a_N}$ ;
- 2) pour  $t$  grand :  $Q(a_N t) \simeq 2k_N$ ;
- 3)  $(X_0(a_N t), X_1(a_N t), \dots, X_j(a_N t), \dots)$  se comporte comme une onde Gaussienne progressive
- 4) la généalogie d'un  $n$ -échantillon de la population converge en probabilité vers le coalescent de Bolthausen-Sznitman quand  $N \rightarrow \infty$  ( $n$  est fixé).

# Pourquoi le coalescent de Bolthausen-Sznitman ?

En remontant le temps, plusieurs lignées coalescent  $\Leftrightarrow$  en avançant dans le temps, un individu donne naissance à une grande famille.

# Pourquoi le coalescent de Bolthausen-Sznitman ?

En remontant le temps, plusieurs lignées coalescent  $\Leftrightarrow$  en avançant dans le temps, un individu donne naissance à une grande famille.

On rappelle que  $\mu_N \ll s_N^a$ , pour tout  $a > 0$ . Plus on augmente la sélection par rapport au taux de mutation, plus on réduit les variations du nombre de niveaux différents de mutations (comportement gaussien de la distribution de  $(X_0, X_1, X_2, \dots)$ ).



# Pourquoi le coalescent de Bolthausen-Sznitman ?

En remontant le temps, plusieurs lignées coalescent  $\Leftrightarrow$  en avançant dans le temps, un individu donne naissance à une grande famille.

On rappelle que  $\mu_N \ll s_N^a$ , pour tout  $a > 0$ . Plus on augmente la sélection par rapport au taux de mutation, plus on réduit les variations du nombre de niveaux différents de mutations (comportement gaussien de la distribution de  $(X_0, X_1, X_2, \dots)$ ).

Avec une petite probabilité à chaque apparition d'un nouveau type, l'individu peut avoir accumulé très rapidement un nombre important de mutations  $\Rightarrow$  son avantage est très élevé  $\Rightarrow$  il participe à un grand nombre de naissances.

On peut étudier des variantes du modèles :

- Que se passe t-il si  $s_N$  et  $\mu_N$  ne tendent plus vers zéro (ou plus de la même manière) ?

On peut étudier des variantes du modèles :

- Que se passe t-il si  $s_N$  et  $\mu_N$  ne tendent plus vers zéro (ou plus de la même manière) ?
- Comment se comporte le modèle lorsque  $s_N$  n'est plus déterministe ?

On peut étudier des variantes du modèles :

- Que se passe t-il si  $s_N$  et  $\mu_N$  ne tendent plus vers zéro (ou plus de la même manière) ?
- Comment se comporte le modèle lorsque  $s_N$  n'est plus déterministe ?
- Peut on mettre deux allèles en compétition dans le modèle sans que l'un n'écrase l'autre instantanément quand  $N \rightarrow \infty$  ?

On peut étudier des variantes du modèles :

- Que se passe t-il si  $s_N$  et  $\mu_N$  ne tendent plus vers zéro (ou plus de la même manière) ?
- Comment se comporte le modèle lorsque  $s_N$  n'est plus déterministe ?
- Peut on mettre deux allèles en compétition dans le modèle sans que l'un n'écrase l'autre instantanément quand  $N \rightarrow \infty$  ?
- A vous d'imaginer...

**Merci de votre attention.**